



La Cardiomyopathie Hypertrophique du Sphynx

Qu'en est-il du dépistage génétique ?

Mutation impliquée, utilité et fiabilité d'un test génétique... vous trouverez les réponses à toutes vos questions sur l'HCM du Sphynx dans cet article.

La Cardiomyopathie Hypertrophique (HCM) est la pathologie cardiaque la plus courante chez les chats, représentant un enjeu majeur pour les éleveurs et les propriétaires de chats de race, en particulier pour le Sphynx.

Le dépistage et la gestion de cette maladie en élevage est crucial pour la santé de ces animaux.

Une mutation nommée ALMS1 a été décrite comme pouvant être associée à la Cardiomyopathie Hypertrophique chez le Sphynx, mais cela est remis en cause par les recherches récentes.

ANTAGENE a participé à une étude récente* menée par des équipes internationales de chercheurs, publiée dans *Frontiers in Veterinary Science*, qui apporte des éclaircissements importants concernant l'HCM chez le chat.

Cette étude a examiné **six mutations génétiques précédemment associées à l'HCM dans différentes races de chats**, dont le Sphynx, en se basant sur les lignes directrices de l'American College of Medical Genetics and Genomics (ACMG).

Les résultats ont révélé que les deux mutations dans le gène MYBPC3 présentes chez le Maine Coon et le Ragdoll sont bien associées à la Cardiomyopathie Hypertrophique. **Mais il n'existe pas de preuves scientifiques solides que les autres mutations décrites, dont la mutation ALMS1, soient liées à l'HCM chez le chat.**

Les principales conclusions de cette étude sont :

- le dépistage génétique de la mutation ALMS1 ne constitue pas une méthode fiable pour prédire l'apparition d'une HCM chez le Sphynx,
- le dépistage génétique de la mutation ALMS1 n'est pas recommandé pour le Sphynx ni pour aucune autre race de chat,
- les animaux porteurs de la mutation ALMS1 ne doivent pas être exclus de la reproduction,
- les éleveurs de Sphynx doivent privilégier le dépistage par échocardiographie.

Le respect de ces recommandations est important pour assurer la santé, la diversité génétique et la pérennité de la race Sphynx.

Cette étude confirme le choix d'ANTAGENE de ne pas intégrer dans son [Bilan Génétique Sphynx](#) la mutation ALMS1 et d'intégrer uniquement les mutations validées scientifiquement dans le [Bilan Génétique du Maine Coon](#) et du [Ragdoll](#).

*Publication : Boeykens et al. (2024). Classification of feline hypertrophic cardiomyopathy-associated gene variants according to the American College of Medical Genetics and Genomics guidelines